**HLTF ENSG00000071794**

**3030 nt**

ATGTCCTGGATGTTCAAGAGGGATCCAGTTTGGAAGTACTTGCAGACTGTCCAGTATGGAGTTCATGGAAATTTTCCACGCCTCTCATATCCAACTTTCTTTCCACGTTTTGAATTCCAAGATGTTATCCCTCCAGATGACTTTCTAACTAGTGATGAAGAAGTAGATTCCGTTTTATTTGGAAGTTTGAGAGGTCATGTGGTTGGACTACGCTATTACACGGGAGTAGTTAATAATAATGAAATGGTTGCATTACAACGAGATCCTAATAACCCTTATGATAAGAATGCAATTAAAGTAAACAATGTGAATGGAAATCAAGTTGGCCATTTAAAGAAAGAGCTTGCAGGTGCTTTGGCCTATATCATGGACAACAAATTGGCACAAATTGAAGGGGTAGTTCCTTTTGGTGCAAACAATGCTTTTACCATGCCTCTGCATATGACTTTTTGGGGAAAAGAAGAAAATAGAAAAGCGGTTTCAGATCAGTTGAAGAAACATGGATTTAAATTGGGTCCTGCACCAAAAACTTTAGGATTCAATTTGGAAAGTGGTTGGGGCTCTGGAAGAGCTGGACCAAGCTATAGTATGCCAGTGCATGCTGCAGTACAGATGACAACTGAACAGCTTAAAACAGAATTTGACAAATTGTTTGAAGATTTAAAAGAAGATGATAAAACCCATGAAATGGAACCAGCTGAGGCTATTGAAACACCACTGCTTCCACATCAAAAACAAGCTCTAGCTTGGATGGTGTCACGGGAAAATAGCAAAGAACTTCCACCATTCTGGGAACAGCGAAATGACTTATACTATAACACAATAACAAATTTTTCTGAGAAGGACCGACCAGAAAATGTCCATGGAGGAATTTTAGCTGATGATATGGGTTTGGGTAAAACTCTTACGGCCATTGCAGTAATCCTTACCAACTTCCATGATGGCAGACCTCTTCCTATTGAAAGAGTTAAAAAGAATCTACTGAAGAAGGAATATAATGTTAACGATGACTCTATGAAACTTGGAGGAAACAATACCAGTGAAAAGGCAGATGGACTAAGCAAAGACGCATCTAGATGTAGTGAACAACCCAGTATTTCAGATATCAAGGAGAAGAGTAAGTTTCGCATGTCAGAATTGTCTAGCTCCCGCCCCAAAAGAAGAAAAACTGCTGTCCAGTACATAGAAAGCAGTGATTCAGAGGAAATTGAAACAAGTGAATTGCCGCAGAAAATGAAAGGCAAACTGAAAAATGTACAGTCTGAAACTAAAGGCAGGGCGAAAGCAGGATCTTCTAAGGTTATAGAAGATGTGGCATTTGCATGTGCATTAACTTCATCTGTTCCTACAACAAAAAAGAAAATGTTGAAAAAGGGAGCTTGTGCAGTGGAGGGGTCAAAGAAAACTGATGTTGAGGAGAGACCAAGAACAACACTGATCATCTGTCCGCTTTCTGTGTTAAGCAACTGGATTGACCAGTTTGGACAACATATAAAATCAGATGTACACTTGAATTTTTATGTTTATTATGGTCCTGATCGTATTAGAGAACCGGCCTTACTTTCAAAACAGGATATTGTTTTGACTACGTATAATATTTTAACTCATGACTATGGAACTAAAGGAGATAGTCCATTACATAGCATAAGGTGGCTAAGAGTGATCCTGGATGAAGGACATGCCATACGAAATCCAAATGCTCAGCAGACAAAAGCTGTACTTGACTTAGAATCAGAAAGAAGATGGGTTTTGACAGGTACTCCAATCCAGAATTCTTTAAAGGACTTGTGGTCTCTTCTTTCCTTTTTAAAACTTAAACCATTTATTGATAGAGAATGGTGGCATAGAACAATACAGCGTCCTGTCACAATGGGAGATGAAGGAGGACTTAGGCGTTTACAGTCCCTAATTAAAAATATTACACTTAGAAGAACAAAGACAAGCAAAATTAAAGGAAAACCTGTTTTGGAGTTACCAGAACGTAAAGTATTTATTCAGCACATTACACTTTCAGATGAAGAGAGAAAGATTTATCAGTCTGTGAAAAATGAAGGCAGAGCCACTATTGGAAGGTATTTTAATGAAGGGACTGTCCTGGCACATTATGCAGATGTCCTGGGTCTTTTGCTTAGACTGCGGCAAATTTGTTGCCATACTTACCTTCTTACAAATGCAGTGTCTTCCAATGGCCCCTCAGGAAATGATACACCTGAAGAACTGAGAAAGAAGTTAATAAGGAAGATGAAGTTAATTCTGAGCTCAGGTTCAGATGAGGAATGTGCAATTTGCCTGGATTCTTTAACAGTTCCTGTGATAACACATTGTGCACATGTATTTTGTAAACCCTGTATTTGCCAAGTCATTCAGAATGAGCAGCCACATGCTAAATGCCCTTTATGCAGAAATGATATACATGAAGATAATTTATTAGAATGTCCTCCAGAAGAATTAGCACGTGACAGTGAGAAAAAGTCTGATATGGAATGGACATCCAGTTCAAAGATTAATGCGCTAATGCACGCATTGACTGACTTAAGAAAGAAGAATCCCAACATAAAAAGTTTGGTTGTTTCTCAGTTTACAACATTCCTGTCTTTAATAGAAATACCACTTAAAGCCTCTGGATTTGTGTTTACTCGTTTGGATGGTTCCATGGCCCAAAAGAAAAGAGTTGAATCAATTCAGTGTTTTCAAAACACTGAAGCAGGATCTCCAACTATAATGCTTCTGTCCTTAAAAGCAGGTGGAGTTGGTTTGAATCTGTCTGCAGCTTCTCGAGTGTTTTTAATGGATCCAGCCTGGAATCCTGCTGCTGAAGATCAGTGCTTTGACAGATGCCATAGACTTGGTCAGAAGCAAGAAGTTATCATCACAAAATTCATTGTAAAGGACTCTGTTGAAGAAAATATGCTGAAAATACAAAACAAAAAGAGAGAACTTGCAGCAGGAGCCTTTGGAACTAAAAAACCAAATGCTGACGAAATGAAACAAGCCAAAATTAATGAAATCAGAACATTAATTGACTTATAA

Forward (1693-1713: 20 bp) Tm: 59.99

CCAAATGCTCAGCAGACAAA

Reverse（1867-1887: 20 bp）Tm: 60.00

TCCTCCTTCATCTCCCATTG

Product: 195 bp

produced by Primer3 (version 0.4.0)

GRCh38.p13 (Ensemble Genome Browser: release 100)