**SIK1 ENSG00000142178**

**2352 nt**

ATGGTTATCATGTCGGAGTTCAGCGCGGACCCCGCGGGCCAGGGTCAGGGCCAGCAGAAGCCCCTCCGGGTGGGTTTTTACGACATCGAGCGGACCCTGGGCAAAGGCAACTTCGCGGTGGTGAAGCTGGCGCGGCATCGAGTCACCAAAACGCAGGTTGCAATAAAAATAATTGATAAAACACGATTAGATTCAAGCAATTTGGAGAAAATCTATCGTGAGGTTCAGCTGATGAAGCTTCTGAACCATCCACACATCATAAAGCTTTACCAGGTTATGGAAACAAAGGACATGCTTTACATCGTCACTGAATTTGCTAAAAATGGAGAAATGTTTGATTATTTGACTTCCAACGGGCACCTGAGTGAGAACGAGGCGCGGAAGAAGTTCTGGCAAATCCTGTCGGCCGTGGAGTACTGTCACGACCATCACATCGTCCACCGGGACCTCAAGACCGAGAACCTCCTGCTGGATGGCAACATGGACATCAAGCTGGCAGATTTTGGATTTGGGAATTTCTACAAGTCAGGAGAGCCTCTGTCCACGTGGTGTGGGAGCCCCCCGTATGCCGCCCCGGAAGTCTTTGAGGGGAAGGAGTATGAAGGCCCCCAGCTGGACATCTGGAGCCTGGGCGTGGTGCTGTACGTCCTGGTCTGCGGTTCTCTCCCCTTCGATGGGCCTAACCTGCCGACGCTGAGACAGCGGGTGCTGGAGGGCCGCTTCCGCATCCCCTTCTTCATGTCTCAAGACTGTGAGAGCCTGATCCGCCGCATGCTGGTGGTGGACCCCGCCAGGCGCATCACCATCGCCCAGATCCGGCAGCACCGGTGGATGCGGGCTGAGCCCTGCTTGCCGGGACCCGCCTGCCCCGCCTTCTCCGCACACAGCTACACCTCCAACCTGGGCGACTACGATGAGCAGGCGCTGGGTATCATGCAGACCCTGGGCGTGGACCGGCAGAGGACGGTGGAGTCACTGCAAAACAGCAGCTATAACCACTTTGCTGCCATTTATTACCTCCTCCTTGAGCGGCTCAAGGAGTATCGGAATGCCCAGTGCGCCCGCCCCGGGCCTGCCAGGCAGCCGCGGCCTCGGAGCTCGGACCTCAGTGGTTTGGAGGTGCCTCAGGAAGGTCTTTCCACCGACCCTTTCCGACCTGCCTTGCTGTGCCCGCAGCCGCAGACCTTGGTGCAGTCCGTCCTCCAGGCCGAGATGGACTGTGAGCTCCAGAGCTCGCTGCAGTGGCCCTTGTTCTTCCCGGTGGATGCCAGCTGCAGCGGAGTGTTCCGGCCCCGGCCCGTGTCCCCAAGCAGCCTGCTGGACACAGCCATCAGTGAGGAGGCCAGGCAGGGGCCGGGCCTAGAGGAGGAGCAGGACACGCAGGAGTCCCTGCCCAGCAGCACGGGCCGGAGGCACACCCTGGCCGAGGTCTCCACCCGCCTCTCCCCACTCACCGCGCCATGTATAGTCGTCTCCCCCTCCACCACGGCAAGTCCTGCAGAGGGAACCAGCTCTGACAGTTGTCTGACCTTCTCTGCGAGCAAAAGCCCCGCGGGGCTCAGTGGCACCCCGGCCACTCAGGGGCTGCTGGGCGCCTGCTCCCCGGTCAGGCTGGCCTCGCCCTTCCTGGGGTCGCAGTCCGCCACCCCAGTGCTGCAGGCTCAGGGGGGCTTGGGAGGAGCTGTTCTGCTCCCTGTCAGCTTCCAGGAGGGACGGCGGGCGTCGGACACCTCACTGACTCAAGGGCTGAAGGCCTTTCGGCAGCAGCTGAGGAAGACCACGCGGACCAAAGGGTTTCTGGGACTGAACAAAATCAAGGGGCTGGCTCGCCAGGTGTGCCAGGCCCCCGCCAGCCGGGCCAGCAGGGGCGGCCTGAGCCCCTTCCACGCCCCTGCACAGAGCCCAGGCCTGCACGGCGGCGCAGCCGGCAGCCGGGAGGGCTGGAGCCTGCTGGAGGAGGTGCTAGAGCAGCAGAGGCTGCTCCAGTTACAGCACCACCCGGCCGCTGCACCCGGCTGCTCCCAGGCCCCCCAGCCGGCCCCTGCCCCGTTTGTGATCGCCCCCTGTGATGGCCCTGGGGCTGCCCCGCTCCCCAGCACCCTCCTCACGTCGGGGCTCCCGCTGCTGCCGCCCCCACTCCTGCAGACCGGCGCGTCCCCGGTGGCCTCAGCGGCGCAGCTCCTGGACACACACCTGCACATTGGCACCGGCCCCACCGCCCTCCCCGCTGTGCCCCCACCACGCCTGGCCAGGCTGGCCCCAGGTTGTGAGCCCCTGGGGCTGCTGCAGGGGGACTGTGAGATGGAGGACCTGATGCCCTGCTCCCTAGGCACGTTTGTCCTGGTGCAGTGA

Forward (874-894: 20 bp) Tm: 60.06

TTCTCCGCACACAGCTACAC

Reverse（1033-1053: 20 bp）Tm: 60.04

GGCATTCCGATACTCCTTGA

Product: 180 bp

produced by Primer3 (version 0.4.0)

GRCh38.p13 (Ensemble Genome Browser: release 100)